

## **Curriculum vitae**

Nome: Enrico

Cognome: Lavezzo

Identificativo univoco: [orcid.org/0000-0002-3902-8356](http://orcid.org/0000-0002-3902-8356)

Luogo e data di nascita: Rovigo (RO), Italia, 07/04/1982

Ufficio: +39 0498276958

E-mail: [enrico.lavezzo@unipd.it](mailto:enrico.lavezzo@unipd.it)

URL del sito web personale: [http://www.medcomp.medicina.unipd.it/wordpress/?page\\_id=40](http://www.medcomp.medicina.unipd.it/wordpress/?page_id=40)

## **ATTIVITÀ PROFESSIONALI**

Posizione: Professore associato presso l'Università di Padova, Dipartimento di Medicina Molecolare.

Attività di ricerca: bioinformatica, analisi genomiche e trascrittomiche di batteri e virus, ricerca di motivi strutturali nella sequenza primaria di DNA e RNA, analisi filogenetiche, sviluppo di metodi per la predizione di funzione delle proteine.

Attività didattica: Medical Biotechnologies, Laurea Magistrale in Bioingegneria (48 ore all'anno, lingua ufficiale: inglese); Microbiologia, Laurea a ciclo unico in Medicina e Chirurgia (36 ore all'anno); Microbiologia, Patologia e Genetica, Laurea in "Tecniche della prevenzione nell'ambiente e nei luoghi di lavoro (abilitante alla professione sanitaria di Tecnico della prevenzione nell'ambiente e nei luoghi di lavoro)" (20 ore all'anno).

Aprile 2012 – marzo 2017: assegnista presso l'Università di Padova, Dipartimento di Medicina Molecolare.

Marzo 2011 - marzo 2012: borsista presso l'Azienda Ospedaliera di Padova, Unità Operativa di Microbiologia e Virologia.

Gennaio 2010 - dicembre 2010: assegnista presso l'Università di Padova, Dipartimento di Istologia, Microbiologia e Biotecnologie Mediche.

Marzo 2010: Dottorato di Ricerca in Biologia e Medicina della Rigenerazione, Università di Padova.

## **ISTRUZIONE**

Settembre 2006: Laurea Specialistica in "Biotecnologie Mediche", Università di Padova (110 e lode).

Luglio 2004: Laurea Triennale in "Biotecnologie Sanitarie", Università di Padova (104/110).

2001: Maturità scientifica (L.S.S. E. Fermi, Padova).

## **RICONOSCIMENTI E FINANZIAMENTI**

2011: partecipazione, con il gruppo “Argot2”, al *Critical Assessment of Function Annotation* (CAFA), una competizione internazionale per software di predizione di funzione. Il team si è classificato al secondo posto assoluto.

2011: selezionato tra i partecipanti al corso di formazione internazionale "EMBO Bioinformatics & Comparative Genome Analyses Course", 27 giugno – 9 luglio, 2011, Institute Pasteur, Parigi, Francia.

2013: vincitore di un assegno senior presso l'Università di Padova, presentando un progetto dal titolo “Using functional space to predict function: exploring new approaches to annotate genes and proteins”. La posizione di durata biennale è iniziata in data 1 aprile 2014.

2014: vincitore di un finanziamento di 24,000 euro dall'Università di Padova come ulteriore contributo al progetto vincitore di assegno.

2014: partecipazione, con il gruppo “Argot2.5”, alla seconda edizione del *Critical Assessment of Function Annotation* (CAFA2). Il team si è classificato tra i 10 migliori su oltre 120 partecipanti.

2015: vincitore di un assegno senior presso l'Università di Padova, presentando un progetto dal titolo “Digging into the microbiota: improving its comprehension by implementing taxonomic information, protein function prediction, and metabolic pathway reconstruction”. La posizione di durata biennale è iniziata in data 1 aprile 2016.

2016: vincitore di una posizione da Ricercatore presso l'Università di Padova. Il contratto tenure-track triennale è iniziato in data 1 marzo 2017.

2017: partecipazione, con il gruppo “Argot2.5”, alla terza edizione del *Critical Assessment of Function Annotation* (CAFA3). Il team si è classificato tra i 10 migliori su oltre 140 partecipanti.

2017: abilitazione scientifica nazionale (ASN) alla posizione di Professore di seconda fascia nel settore concorsuale 06/A3 - Microbiologia e Microbiologia Clinica, settore scientifico disciplinare MED/07.

2019: vincitore di un finanziamento di 453,850.00 euro come co-PI nell'ambito del progetto europeo “Versatile Emerging infectious disease Observatory (VEO)”, (Call: H2020-SC1-2019-Single-Stage-RTD, ProjectID 874735). Il progetto, di durata quinquennale, coinvolge 20 istituzioni in tutta Europa, per un totale di 14,994,726.25 euro.

2019: vincitore di un finanziamento di 140,000 euro come PI del progetto “Identification of a new Secondary Structure in *MYcobacterium Tuberculosis* genome as a potential *pHarmacological target* (ISS-MYTH)”, di durata biennale, finanziato dall'Università di Padova nell'ambito del programma STARS Consolidator grants.

2020: posizione da Professore associato presso l'Università di Padova.

## **PUBBLICAZIONI**

Autore di 55 pubblicazioni scientifiche su riviste internazionali peer-reviewed (citazioni totali >3000, h-index=22).

## CONFERENZE

Partecipazione come oratore ai seguenti congressi nazionali e internazionali:

- *MicroRNA Deregulation in HCV-Associated Hepatocellular Carcinoma* - 8th National Congress of the Italian Society of Virology. 21-23 Settembre 2008, Orvieto, Italia.
- *Development of advanced therapies for the treatment of hepatic cancer* – Conferenza per la presentazione dell'attività di ricerca dei dottorandi, ciclo XXII, Macroarea 4 (Medicina e Chirurgia). Padova, 20 ottobre 2008.
- *High-throughput Sequencing Technology Applications in Stem Cell Research* - Macroregional Network for cell therapy in Hematopoietic Stem Cell Transplant Recipients. 26-27 aprile, 2009. Bressanone, Italia.
- *Prediction of viral and host targets of human cytomegalovirus microRNAs* - 9th National Congress of the Italian Society of Virology. 9-11 settembre 2009, Orvieto, Italia.
- Analysis of microRNA expression profiles in viral chronic hepatitis and development of bioinformatics tools for gene target prediction. - XVI FISMAD National Congress, 6 – 9 marzo, 2010, Verona, Italia.
- *keeSeek: searching distant non-existing words in genomes for PCR-based applications* – Second Italian experience in biomedical research: young minds at work. 24-25 ottobre 2014, Desenzano del Garda (BS), Italia.
- *Eliciting the Functional Taxonomy from protein annotations and taxa* – Automated Function Prediction 2015, ISMB satellite meeting. 11 luglio 2015, Dublino, Irlanda.
- *Phylogenetic characterization of Central-Southern European lineage 2 West Nile virus: Analysis of human outbreaks in Italy and Greece, 2013-2014* - 13<sup>th</sup> National Congress of the Italian Society of Virology. 14-16 settembre 2015, Orvieto, Italia.
- *A new model for 3D genome folding tested in Mycobacterium bovis* – DMM Scientific meeting, 9-10 novembre 2017, Padova, Italia.
- *G-quadruplex forming sequences in the genome of all known human viruses: a comprehensive guide* – International congress “Biology of non-canonical nucleic acids: from humans to pathogens” (BIONIC), 26-28 Settembre, 2018, Padova, Italia.
- *Aspetti bioinformatici associati all'NGS: dalla metagenomica alla ricerca di varianti minoritarie*. Corso precongressuale del XLVII Congresso Nazionale AMCLI (Associazione Microbiologi Clinici Italiani), 10-13 Novembre 2018, Rimini, Italy. **Invited speaker**.

## REVISORE PER RIVISTE SCIENTIFICHE INTERNAZIONALI

Selezionato come revisore dalle seguenti riviste internazionali:

- Lancet Infectious Diseases
- Bioinformatics
- Trends in Biotechnology
- Clinical Microbiology and Infection

- BMC Genomics
- BMC Bioinformatics
- PLoS Computational Biology
- Infection, Genetics and Evolution
- Journal of Clinical Virology
- Scientific Reports
- Genomics, Proteomics & Bioinformatics
- PLoS One
- Viruses

Padova, 1 aprile 2020

In fede,

Dr. Enrico Lavezzo

A handwritten signature in black ink, reading "Enrico Lavezzo". The signature is written in a cursive, flowing style.

Autorizzo il trattamento dei miei dati personali in accordo al Decreto Legislativo 30 giugno 2003, n. 196 "Codice concernente la protezione dei dati personali".