

## **Curriculum vitae**

Nome: Enrico

Cognome: Lavezzo

Identificativo univoco: orcid.org/0000-0002-3902-8356

Luogo e data di nascita: Rovigo (RO), Italia, 07/04/1982

Ufficio: +39 0498276958

E-mail: [enrico.lavezzo@unipd.it](mailto:enrico.lavezzo@unipd.it)

URL del sito web personale: [http://www.medcomp.medicina.unipd.it/wordpress/?page\\_id=40](http://www.medcomp.medicina.unipd.it/wordpress/?page_id=40)

## **ATTIVITÀ PROFESSIONALI**

Posizione: Professore associato presso l'Università di Padova, Dipartimento di Medicina Molecolare.

Attività di ricerca: bioinformatica, analisi genomiche e trascrittomiche di batteri e virus, ricerca di motivi strutturali nella sequenza primaria di DNA e RNA, analisi filogenetiche, sviluppo di metodi per la predizione di funzione delle proteine.

Attività didattica: Medical Biotechnologies, Laurea Magistrale in Bioingegneria (48 ore all'anno, lingua ufficiale: inglese); Microbiologia, Laurea a ciclo unico in Medicina e Chirurgia (36 ore all'anno); Microbiologia, Patologia e Genetica, Laurea in "Tecniche della prevenzione nell'ambiente e nei luoghi di lavoro (abilitante alla professione sanitaria di Tecnico della prevenzione nell'ambiente e nei luoghi di lavoro)" (20 ore all'anno).

Aprile 2012 – marzo 2017: assegnista presso l'Università di Padova, Dipartimento di Medicina Molecolare.

Marzo 2011 - marzo 2012: borsista presso l'Azienda Ospedaliera di Padova, Unità Operativa di Microbiologia e Virologia.

Gennaio 2010 - dicembre 2010: assegnista presso l'Università di Padova, Dipartimento di Istologia, Microbiologia e Biotecnologie Mediche.

Marzo 2010: Dottorato di Ricerca in Biologia e Medicina della Rigenerazione, Università di Padova.

## **ISTRUZIONE**

Settembre 2006: Laurea Specialistica in "Biotecnologie Mediche", Università di Padova (110 e lode).

Luglio 2004: Laurea Triennale in "Biotecnologie Sanitarie", Università di Padova (104/110).

2001: Maturità scientifica (L.S.S. E. Fermi, Padova).

## RICONOSCIMENTI E FINANZIAMENTI

2011: partecipazione, con il gruppo “Argot2”, al *Critical Assessment of Function Annotation* (CAFA), una competizione internazionale per software di predizione di funzione. Il team si è classificato al secondo posto assoluto.

2011: selezionato tra i partecipanti al corso di formazione internazionale "EMBO Bioinformatics & Comparative Genome Analyses Course", 27 giugno – 9 luglio, 2011, Institute Pasteur, Parigi, Francia.

2013: vincitore di un assegno senior presso l’Università di Padova, presentando un progetto dal titolo “Using functional space to predict function: exploring new approaches to annotate genes and proteins”. La posizione di durata biennale è iniziata in data 1 aprile 2014.

2014: vincitore di un finanziamento di 24,000 euro dall’Università di Padova come ulteriore contributo al progetto vincitore di assegno.

2014: partecipazione, con il gruppo “Argot2.5”, alla seconda edizione del *Critical Assessment of Function Annotation* (CAFA2). Il team si è classificato tra i 10 migliori su oltre 120 partecipanti.

2015: vincitore di un assegno senior presso l’Università di Padova, presentando un progetto dal titolo “Digging into the microbiota: improving its comprehension by implementing taxonomic information, protein function prediction, and metabolic pathway reconstruction”. La posizione di durata biennale è iniziata in data 1 aprile 2016.

2016: vincitore di una posizione da Ricercatore presso l’Università di Padova. Il contratto tenure-track triennale è iniziato in data 1 marzo 2017.

2017: partecipazione, con il gruppo “Argot2.5”, alla terza edizione del *Critical Assessment of Function Annotation* (CAFA3). Il team si è classificato tra i 10 migliori su oltre 140 partecipanti.

2017: abilitazione scientifica nazionale (ASN) alla posizione di Professore di seconda fascia nel settore concorsuale 06/A3 - Microbiologia e Microbiologia Clinica, settore scientifico disciplinare MED/07.

2019: vincitore di un finanziamento di 453,850.00 euro come co-PI nell’ambito del progetto europeo “*Versatile Emerging infectious disease Observatory (VEO)*”, (Call: H2020-SC1-2019-Single-Stage-RTD, ProjectID 874735). Il progetto, di durata quinquennale, coinvolge 20 istituzioni in tutta Europa, per un totale di 14,994,726.25 euro.

2019: vincitore di un finanziamento di 140,000 euro come PI del progetto “*Identification of a new Secondary Structure in MYcobacterium Tuberculosis genome as a potential pHarmacological target (ISS-MYTH)*”, di durata biennale, finanziato dall’Università di Padova nell’ambito del programma STARS Consolidator grants.

2020: posizione da Professore associato presso l’Università di Padova.

## PUBBLICAZIONI

Autore di 55 pubblicazioni scientifiche su riviste internazionali peer-reviewed (citazioni totali >3000, h-index=22).

## **CONFERENZE**

Partecipazione come oratore ai seguenti congressi nazionali e internazionali:

- *MicroRNA Deregulation in HCV-Associated Hepatocellular Carcinoma* - 8th National Congress of the Italian Society of Virology. 21-23 Settembre 2008, Orvieto, Italia.
- *Development of advanced therapies for the treatment of hepatic cancer* – Conferenza per la presentazione dell’attività di ricerca dei dottorandi, ciclo XXII, Macroarea 4 (Medicina e Chirurgia). Padova, 20 ottobre 2008.
- *High-throughput Sequencing Technology Applications in Stem Cell Research* - Macroregional Network for cell therapy in Hematopoietic Stem Cell Transplant Recipients. 26-27 aprile, 2009. Bressanone, Italia.
- *Prediction of viral and host targets of human cytomegalovirus microRNAs* - 9th National Congress of the Italian Society of Virology. 9-11 settembre 2009, Orvieto, Italia.
- Analysis of microRNA expression profiles in viral chronic hepatitis and development of bioinformatics tools for gene target prediction. - XVI FISMAD National Congress, 6 – 9 marzo, 2010, Verona, Italia.
- *keeSeek: searching distant non-existing words in genomes for PCR-based applications* – Second Italian experience in biomedical research: young minds at work. 24-25 ottobre 2014, Desenzano del Garda (BS), Italia.
- *Eliciting the Functional Taxonomy from protein annotations and taxa* – Automated Function Prediction 2015, ISMB satellite meeting. 11 luglio 2015, Dublino, Irlanda.
- *Phylogenetic characterization of Central-Southern European lineage 2 West Nile virus: Analysis of human outbreaks in Italy and Greece, 2013-2014* - 13<sup>th</sup> National Congress of the Italian Society of Virology. 14-16 settembre 2015, Orvieto, Italia.
- *A new model for 3D genome folding tested in Mycobacterium bovis* – DMM Scientific meeting, 9-10 novembre 2017, Padova, Italia.
- *G-quadruplex forming sequences in the genome of all known human viruses: a comprehensive guide* – International congress “Biology of non-canonical nucleic acids: from humans to pathogens” (BIONIC), 26-28 Settembre, 2018, Padova, Italia.
- *Aspetti bioinformatici associati all’NGS: dalla metagenomica alla ricerca di varianti minoritarie*. Corso precongressuale del XLVII Congresso Nazionale AMCLI (Associazione Microbiologi Clinici Italiani), 10-13 Novembre 2018, Rimini, Italy. Invited speaker.

## **REVISORE PER RIVISTE SCIENTIFICHE INTERNAZIONALI**

Selezionato come revisore dalle seguenti riviste internazionali:

- Lancet Infectious Diseases
- Bioinformatics
- Trends in Biotechnology
- Clinical Microbiology and Infection

- BMC Genomics
- BMC Bioinformatics
- PLoS Computational Biology
- Infection, Genetics and Evolution
- Journal of Clinical Virology
- Scientific Reports
- Genomics, Proteomics & Bioinformatics
- PLoS One
- Viruses

Padova, 1 aprile 2020

In fede,

Dr. Enrico Lavezzo

A handwritten signature in black ink, appearing to read "Enrico Lavezzo".

Autorizzo il trattamento dei miei dati personali in accordo al Decreto Legislativo 30 giugno 2003, n. 196 "Codice concernente la protezione dei dati personali".